

- Huanghe River estuary. *Chinese Journal of Oceanology and Limnology*, **11**, 368–374.
- Zhan BY (詹秉义) (2000) *Fisheries Resources Assessment* (渔业资源评估). Agriculture Press of China, Beijing. (in Chinese)
- Zhang CL (张春霖), Cheng QT (成庆泰), Zheng BS (郑葆珊), Li SZ (李思忠), Zheng WL (郑文莲), Wang WB (王文滨) (1955) *The Survey Report of the Fishes of Bohai and Yellow Sea* (黄渤海鱼类调查报告). Science Press, Beijing. (in Chinese)
- Zhang HL (张洪亮), Yang JQ (杨建强), Cui WL (崔文林) (2006) Status of salinity changes and the effect on marine environments and ecosystem in Laizhou Bay. *Marine Environmental Science* (海洋环境科学), **25**(Suppl.), 11–14. (in Chinese with English abstract)
- Zhu XH (朱鑫华), Yang JM (杨纪明), Tang QS (唐启升) (1996) Study on characteristics of fish community structure in Bohai Sea. *Oceanologia et Limnologia Sinica* (海洋与湖沼), **27**, 6–13. (in Chinese with English abstract)

(责任编辑: 孙军 责任编辑: 闫文杰)

附录I 2010–2011年调查莱州湾游泳动物种类名录

Appendix I The list of nekton species recorded in Laizhou Bay during 2010 and 2011

<http://www.biodiversity-science.net/fileup/PDF/w2013-009-1.pdf>

首届“郑重海洋生物多样性论坛”于2013年8月在厦门召开

在自然和人为干扰下, 海洋生物多样性正在经历着剧烈变化, 了解这一变化的自然规律具有重要的社会、经济和科学意义。作为研究生物多样性的新手段, DNA条形码技术发展迅速, 已成为现代生物分类学发展的新方向和热点, 使得大量隐存种及新物种被发现, 并使人们对海洋生物多样性及物种间关系(如食物网结构复杂性)有了全新的认识, 极大地提高了人类监测、评估、保护以及利用海洋生物资源及鉴别入侵有害物种的能力。

意识到海洋生物DNA条形码研究的必要性和紧迫性, 厦门大学海洋生物多样性与全球变化研究中心于2013年8月8日在厦门举办了首届“郑重海洋生物多样性论坛”, 旨在研讨海洋生物DNA条形码的国内外研究现状和前景, 并探讨如何促进我国海洋生物DNA条形码研究的发展。论坛共有来自中国水产科学研究院黄海水产研究所、东海水产研究所、南海水产研究所、国家海洋环境监测中心、国家海洋局第三海洋研究所、中国海洋大学和厦门大学等单位的40余名代表参加。

厦门大学海洋生物多样性与全球变化研究中心主任、“千人计划”特聘教授林森杰主持会议。13个会议报告涵盖了从海洋微生物、浮游植物、浮游动物、底栖生物到鱼类的DNA条形码研究, 分别介绍了DNA条形码技术在各个领域的最新发展动态。厦门大学李少菁教授、徐振祖教授, 国家海洋局第三海洋研究所林茂研究员等对各个报告进行了精彩点评, 并对进一步的研究提出了新的建议。报告之后, 林森杰教授和黄海水产研究所庄志猛研究员共同组织了讨论。与会专家对我国海洋生物DNA条形码未来的研究方向畅所欲言, 进行了热烈讨论, 并达成以下共识: (1)亟需开发适用于不同海洋生物类群的DNA条形码。基于DNA条形码, 对近海海洋生物中的姐妹种、隐存种进行系统研究, 全面了解我国近海生物资源现状与动态; (2)与会各单位及其他相关单位间应优势互补, 实现资源共享, 共同建设我国海洋生物DNA条形码数据库和在线分析的开放式共享网络平台。

(厦门大学海洋生物多样性与全球变化研究中心)